

Fig. 1.

1/5

pSPRH826b insertion plasmid

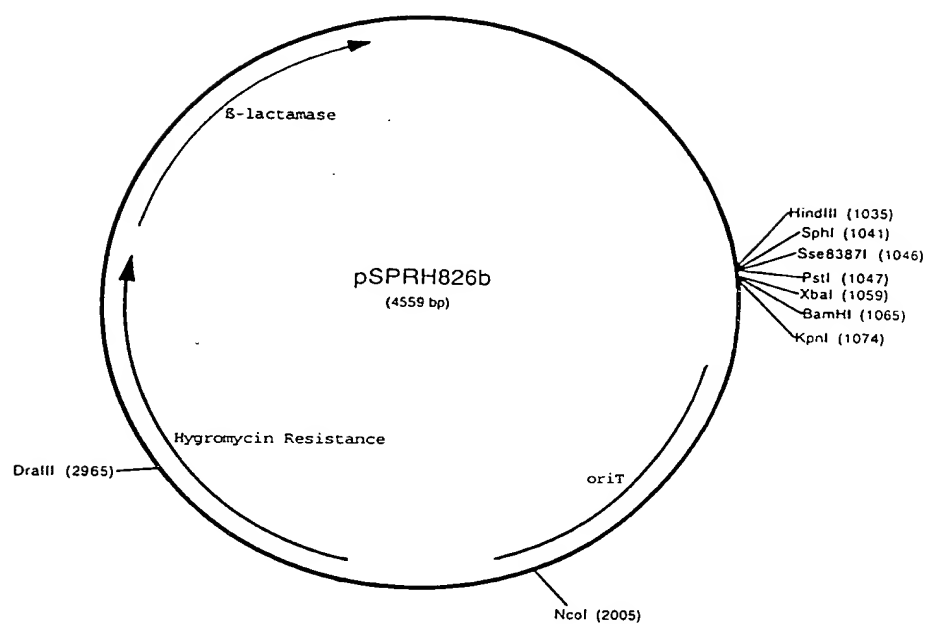


Fig. 2

2/5

pSPRH840 integrating vector

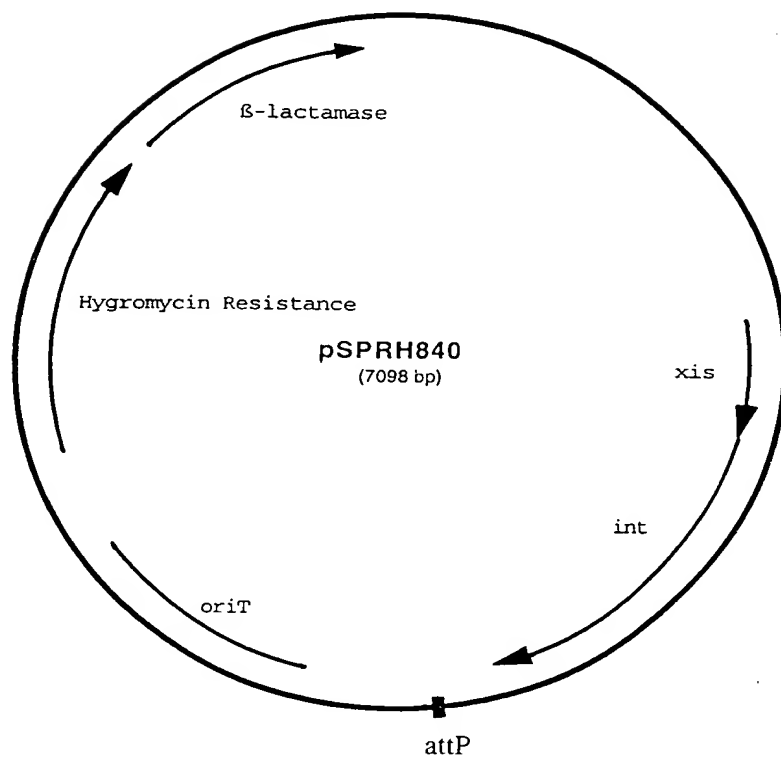
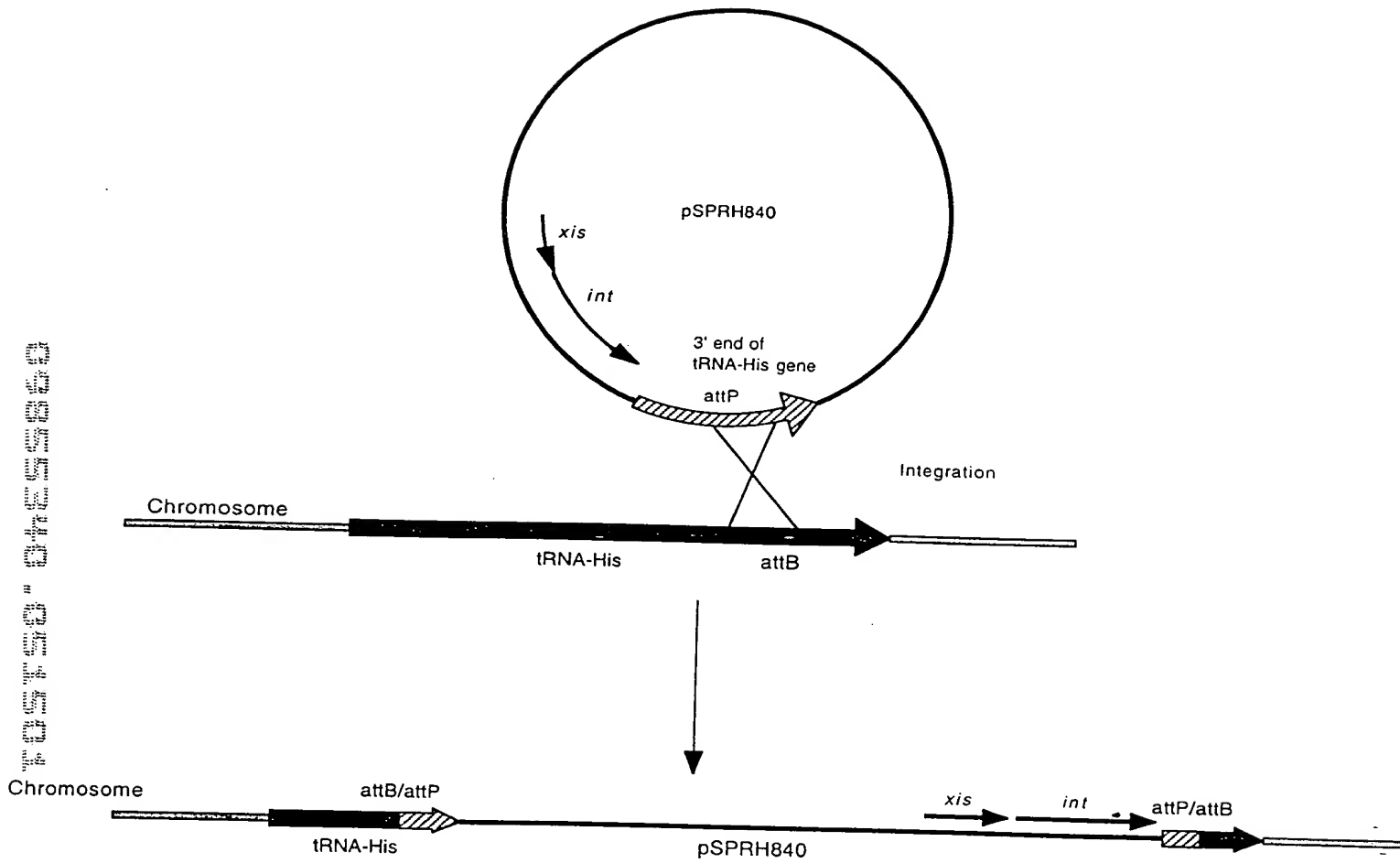


Fig. 3.



4/5

1 TAGGGGAATCCACTCTCGGAGAGCGCCCGGAGCAATTCGGAGCATGACGGAGCAACAGCAGGTCAAGGTGGCCTGTGTGACCCCTGACCAGGGCCC
95 CGGTAC **GGGTTC AATTCCCATCAGTCACCCG** GCAAGTGGATCTTACTCCACAGCAGATCAGGCCCCCTCGAA
167 GAGGGGGCCTGATGCGTCATAGGGGACAGGTAGGGGAAC TCA

[illegible]

1 TGGCGGGGGTGTGGCTATTATTAGTTCGCGAAGCGCGCGCGCGCGCGCGAGCGGAGCGCATGGTGGCTGTAGCTCAGTTGGCAGAGCACCG
GGTTGTGGTCCCGGTTGTCTGTGGTTCAATTCCCATCAGTCACCCGGAAGTGGATCTACTCCACAGCAG
ATCAGCGCGCGCTCCGAGAGCGGGCGCTGATGGTCTATAGCGGACAGGTAGCGGAATCAACCGCGGCTCTCTGCTCGGGTC

1 TAGGGGAAATCCACTCCGAGAGGCGCCGAGCAATCCGGAGCATGACGGAGCAACACGAGGTACGGTGGCTGTTCACCCCTGACCCAGGCGCC

attP/attB right junction

95 CGGTAC **GGGTTC** **CAATTC** **CCATC** **AGTC** **ACCCG** TACACGAGGCGCCCTCCACTCCGAGGCGCGCCCTTCGGCGTT

167 CCTGACGGGTTCGGCGGTACGGCGGTGGCTGGCGCGCTGGGGCACTGGCGCGCGGTGGCGCGGAGTGGCGCTGGCGGTTCGGGGCA

224 A T P E A S P S E A G D A P T A E A D P S

Fig. 5

5/5

1 TAGGGGATCCACTCCGGAGACGCGCCGAGCAATCCGGAGCATGACGGAGCAACGACAGGTCAGGTGGCTGTGACCCCTGACACGGGCCC
 95 CGGTAC **GGGTTCAATTCCCATCAGTCACCCG** GCAAGTGGATCTACTCCACAGCAGATCAGGCGCCCTCCGAA
 167 GAGGGGGCTGATGGGTCATAGGGGACAGGTAGGGGAAC TCA

1 TTCTCCGCAACCGCGCGGGCGTTGACCGGGTGCGCGCGCATGGTGGCTGTAGCTCAGTTGGCAGAGCACCGGGTTGTGGTCCCGGT
 90 TGTCGT **GGGTTCAATTCCCATCAGTCACCCCA** GGTAGACCCAGGTCAGGCGCGGTCTCAACCGCGCTGAC
 161 CCGATTTTCAGGGGCATGGTGGGGCGCTACCGGGGGTGGGGTGTCTCAACCGAGCGCATCTCGATCAGGCGATGAGCGCGCGCTGCGCGG
 224 • R P H P T E G R A L M E I L R D L R R Q R

1 TTCTCCGCAACCGCGCGGGCGTTGACCGGGTGCGCGCGCATGGTGGCTGTAGCTCAGTTGGCAGAGCACCGGGTTGTGGTCCCGGT
 attB/attP left junction
 90 TGTCGT **GGGTTCAATTCCCATCAGTCACCCG** GCAAGTGGATCTACTCCACAGCAGATCAGGCGCCCTCCGAA
 162 GAGGGGGCTGATGGGTCATAGGGGACAGGTAGGGGAAC TCAACCGCGCTCTGCTGGGTGGGTTCATGCGGTGCGGTACCCCTCCCGGT
 257 AACTGGCCCTCTCCCGTTCTCTGATCTCGCGGGGAGCTGATCGCGCAGGTGGCGCTCC

1 TAGGGGATCCACTCCGGAGACGCGCCGAGCAATCCGGAGCATGACGGAGCAACGACAGGTCAGGTGGCTGTGACCCCTGACACGGGCCC
 attP/attB right junction
 96 CGGTAC **GGGTTCAATTCCCATCAGTCACCCCA** GGTAGACCCAGGTCAGGCGCGGTCTCAACCGCGCTGACG
 168 CATTTTCAGGGGCATGGTGGGGCGCTACCGGGGGTGGGGTGTCTCAACCGAGCGCATCTCGATCAGGCGATGAGCGCGCGCTGCGCGG
 224 • R P H P T E G R A L M E I L R D L R R Q R